

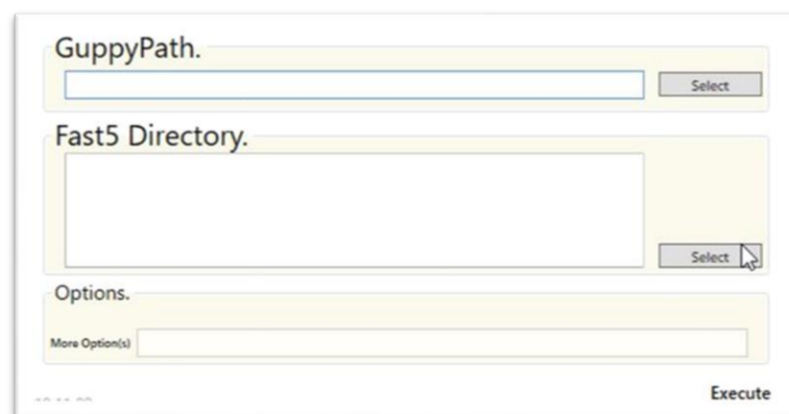
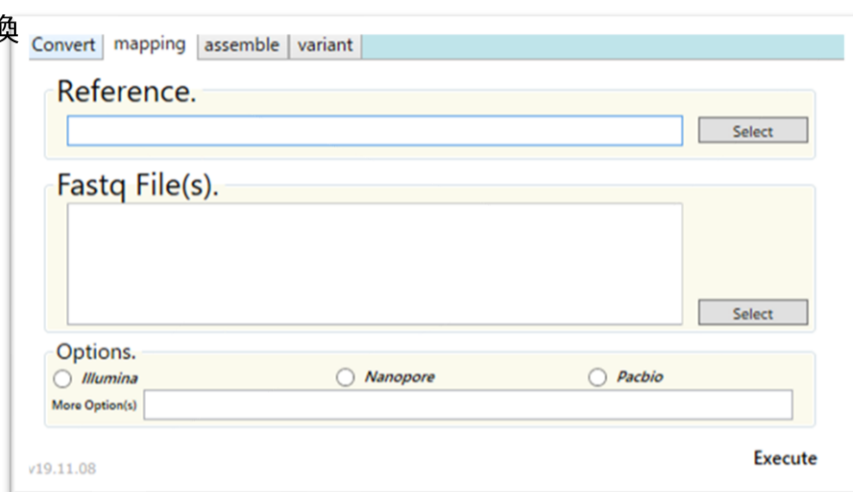
## 2.5 世代シーケンスデータ解析ツール コマンド不要の自動解析

NanotoolsはいままでLinux上でしか総合的に解析できなかった、PacBio社やオックスフォードナノポア社のロングリードを誰もがWindows上で気軽に操作、解析できるように開発したソフトウェアです。

FastqまたはFast5フォーマットのデータを解析画面にドラッグ&ドロップするだけで自動で解析がスタートし結果保存を実現します。Fast5からFastqへの変換も設定で自動で行えます。

- MinION Fast5からバーコード分割されたFastqへ変換
- Illumina社、等 ショートリード
  - ✓ Reference Mapping
- PacBio/Nanopore ロングリード
  - ✓ Reference Mapping
  - ✓ De-novo Assemble
  - ✓ 構造解析
- マッピング結果は IGVで閲覧可能
- 結果は指定フォルダーへ自動保存

※Fast5 の変換には nanopore Guppy が必要です



### 使用している Linux ツール

- pycoQC
- minimap2
- miniasm
- samtools
- Svim

\* 希望のツールを順次組み込んでいます。  
ご希望のツールがあれば連絡ください。

### ハードウェア仕様

- OS: Windows 10 (64bit)
- メモリ 16GB 以上解析内容により変動)

### ライセンス形態

- PC固定永久ライセンス  
(サポート・アップデート対応期間 = 購入後1年間)

- \* ハードウェアとのパッケージも承ります。
- \* 受託にてソフトを利用する場合の価格設定もご  
ざいます。ご相談ください。

**nanotools v2のデモ版をご利用いただけます**

<https://www.w-fusion.co.jp/> へアクセスください



株式会社ワールドフュージョン

e-mail: oshirase@w-fusion.co.jp / TEL: 03-3662-0521

URL: <http://www.w-fusion.co.jp>